

Обзор веб-сайта musabase.org

Сгенерирован 26 Марта 2025 12:47

Набрано баллов: 41/100



SEO Контент

	Заголовок страницы	MusaBase Длина : 8 В идеале, Ваш заголовок страницы должен содержать от 10 до 70 символов (вместе с пробелами). Используйте этот бесплатный инструмент для подсчета длины символов в тексте.												
	Описание страницы	Длина : 0 Очень плохо. Мы не нашли описание страницы у Вас на веб-сайте. Используйте бесплатный генератор мета-тэгов , чтобы сгенерировать описание для страницы.												
	Ключевые слова	Очень плохо. Мы не нашли ключевых слов на Вашем веб-сайте. Используйте бесплатный генератор мета-тэгов , чтобы сгенерировать ключевые слова.												
	Og Meta Properties	Вы не используете преимущества Og Properties. Эти мета-тэги помогают социальным роботам лучше структурировать Ваш сайт. Используйте бесплатный генератор og properties , чтобы создать их.												
	Заголовки	<table><tr><th>H1</th><th>H2</th><th>H3</th><th>H4</th><th>H5</th><th>H6</th></tr><tr><td>0</td><td>2</td><td>106</td><td>97</td><td>0</td><td>0</td></tr></table> • [H2] Individual Crosses: • [H2] Group of Crosses: • [H3] Thank you :-) • [H3] Breeding programs • [H3] Phenotyping • [H3] East African Highland • [H3] bananas project & Partners • [H3] New to the database? • [H3] This workflow will guide you through tissue sampling an experiment • [H3] At which level do you plan to keep track of your sampling? • [H3] Select a field trial • [H3] Plant entries in your field trial	H1	H2	H3	H4	H5	H6	0	2	106	97	0	0
H1	H2	H3	H4	H5	H6									
0	2	106	97	0	0									

CEO КОНТЕНТ

- [H3] Create tissue sample entries for this trial
- [H3] Complete! You have all the entities you need to conduct your sampling.
- [H3] Complete! You have all the entities you need to conduct your sampling.
- [H3] This workflow will guide you through uploading a new trial or trials into the database
- [H3] Enter information about the experiment and upload your trial layout
- [H3] Is your trial linked with other field trials, genotyping plates, or crossing experiments in the database? If you are unsure, you can skip this. This information can be added from the trial detail page after the trial is saved.
- [H3] Fixing the missing accession(s) problem
- [H3] Trial Upload Error Messages
- [H3] Fixing the missing seedlot(s) problem
- [H3] Trial Upload Error Messages
- [H3] Submit your trial again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your trial is now in the database
- [H3] Finished! Your trial is now in the database
- [H3] This workflow will guide you through designing a new trial in the database
- [H3] Enter basic information about the trial
- [H3] Design your trial layout
- [H3] Is your trial linked with other field trials, genotyping plates, or crossing experiments in the database? If you are unsure, you can skip this. This information can be added from the trial detail page after the trial is saved.
- [H3] Specify the number of rows and columns for the entire field
- [H3] If you want to change the way in which plot names will be generated by the database
- [H3] Review the generated trial layout. Make sure to click Submit at the bottom of this page if you approve of the trial!
- [H3] Complete! Your trial was saved in the database.
- [H3] Complete! Your trial was saved in the database.
- [H3] This workflow will guide you through uploading genotypes into the database
- [H3] Select the type of genotyping data being uploaded
- [H3] Select the genotyping project or create a new one. A genotyping project is a specific genotyping event. You can have many genotyping projects under the same genotyping protocol to indicate that those genotyping events used the same markers.
- [H3] Provide info about the genotyping protocol used. The genotyping protocol represents a specific instance of how genotypes were called for a set of markers in a genotyping platform. Many genotyping projects can use the same genotyping protocol.
- [H3] Provide genotype information
- [H3] Finalize and submit your genotyping data
- [H3] Complete! Your genotyping data was saved in the

CEO КОНТЕНТ

database.

- [H3] This workflow will guide you through adding a genotyping plate in the database
- [H3] Select a genotyping project
- [H3] Provide info about your plate
- [H3] Provide information about the wells in your plate
- [H3] You want to upload an existing plate layout
- [H3] You want to upload a Coordinate Android Application file.
- [H3] You want to upload a Custom Android Application file.
- [H3] You want to design a completely new plate.
- [H3] Is your genotyping plate linked with field trials in the database? This information can also be added from the genotyping plate detail page once the trial is saved in the database.
- [H3] Finalize and submit your genotyping plate
- [H3] Complete! Your genotyping plate was saved in the database.
- [H3] Complete! Your genotyping plate was saved in the database.
- [H3] What is a seedlot inventory?
- [H3] Make sure you are collecting seedlot inventory in the following format
- [H3] Select your file and upload seedlot inventory
- [H3] Fixing the missing seedlot(s) problem
- [H3] Seedlot Inventory Upload Error Messages
- [H3] Submit your inventory again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your seedlot inventory is in the database
- [H3] Finished! Your seedlot inventory is in the database
- [H3] The trial was saved to the database with no errors!
- [H3] What are seedlots?
- [H3] Seedlots fall into two categories
- [H3] Make sure your file matches the correct file format
- [H3] Provide basic information about the seedlots and upload your file
- [H3] Fix all errors in your file
- [H3] Seedlot Upload Error Messages
- [H3] Submit your seedlots again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your seedlots are now in the database
- [H3] Finished! Your seedlots are now in the database
- [H3] Add the missing accessions to a list
- [H3] Introduction
- [H3] Select a crossing experiment for your crosses
- [H3] Enter basic information about the crosses and upload your file
- [H3] Additional options:
- [H3] Finished! Your crosses are now in the database
- [H3] Finished! Your crosses are now in the database
- [H3] What is a cross?

CEO КОНТЕНТ

- [H3] Select a crossing experiment
- [H3] Enter basic information about the cross
- [H3] Enter basic information about the cross
- [H3] Optional: If you choose to record exact cross parents, you can do so.
- [H3] Optional: If you choose to record exact cross female parent, you can do so.
- [H3] If you would like to add auto-generated progeny names for this cross, you can add it here
- [H3] Optional:
- [H3] Finished! Your cross is now in the database
- [H3] Finished! Your cross is now in the database
- [H3] What are crossing experiments?
- [H3] Enter basic information about the crossing experiment
- [H3] Finished! Your crossing experiment is now in the database
- [H3] Finished! Your crossing experiment is now in the database
- [H3] Your Lists
- [H3] Elements not found:
- [H3] Optional: Add Missing Accessions to A List
- [H3] Mismatched case
- [H3] Multiple mismatched case
- [H3] List elements matching a synonym
- [H3] Multiple synonym matches
- [H3] Your Datasets
- [H3] Elements not found:
- [H3] Login
- [H3] Forgot Username
- [H3] Reset Password
- [H3] Create New User
- [H4] Old browser version detected
- [H4] This site is best viewed with:
- [H4] What are you interested in? For General Help
- [H4] Upload an experimental field trial into the database that you have saved on your computer in Excel
- [H4] Design a completely new experimental field trial in the database
- [H4] Catalog your available seed inventory into the database
- [H4] Upload phenotypic data into the database that you have saved on your computer in Excel
- [H4] Plan tissue sampling
- [H4] Upload crosses and crossing information into the database
- [H4] Print barcode labels for my experiment (for your plots or plants or tissue samples in the field, or for your 96 well plate and tissue samples)
- [H4] Analyze phenotypic performance across trials
- [H4] Prepare a 96 or 384 well plate for a genotyping experiment
- [H4] Upload VCF genotypic data
- [H4] Tissue Sampling
- [H4] Field trial is not relevant for the type of tissue sampling you selected. Go to next step.
- [H4] Plant entries not relevant for the type of tissue sampling you selected. Go to next step.
- [H4] Plant entries exist for this trial. Go to next step.
- [H4] Please create plant entries for this trial.
- [H4] Field trial tissue sample entries not relevant for the type of

CEO КОНТЕНТ

tissue sampling you selected. Go to next step.

- [H4] Tissue sample entries exist for this trial. Go to next step.
- [H4] Workflow for seedlot inventory
- [H4] I have new seedlots that need to be added into the database.
- [H4] I conducted an inventory (in weight(g)) and want to update the database to reflect the current state of the inventory.
- [H4] Workflow for uploading phenotypes
- [H4] Workflow for trial barcoding
- [H4] Workflow for comparing one or many trials
- [H4] Upload Existing Trial(s)
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Trial Metadata
- [H4] Upload Trial Metadata Template Information
- [H4] Design New Trial
- [H4] Which accessions will be in the field?
- [H4] Which crosses will be in the field?
- [H4] Which family names will be in the field?
- [H4] Number of Plants:
- [H4] Number of Columns (required):
- [H4] Number of columns between two check columns (Optional):
- [H4] Which seedlots will you grow in the field? This is optional and can be decided later. If you do not know exactly which seedlot packets you will be planting at this time, you can add this information on the Trial Detail Page after the trial has been saved in the database.
- [H4] Add Field Management Factor to Design
- [H4] Add Field Management Factor to Design
- [H4] Partially Replicated Design Usage Help
- [H4] Background:
- [H4] Design Parameters:
- [H4] NOTE:
- [H4] Upload Genotypes
- [H4] Upload VCF Template Information
- [H4] Upload Intertek Template Information
- [H4] Upload Tassel HDF5 Template Information
- [H4] Upload SSR Marker Info Template Information
- [H4] Upload SSR Marker Info Error
- [H4] Success
- [H4] Upload SSR Protocol (Marker Info)
- [H4] Upload SSR Data Template Information
- [H4] Upload KASP data Template Information
- [H4] Add Genotyping Plate
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Seedlot Inventory
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Seedlots
- [H4] Upload Template Information For Named Accessions
- [H4] Upload Template Information For Harvested Seedlots
- [H4] Create New Seedlot
- [H4] OR

CEO Контент

		• [H4] Add Accessions • [H4] Upload Accessions Template Information • [H4] Accessions to be Added • [H4] Fuzzy Matches • [H4] Found Accessions • [H4] Accessions Saved • [H4] Upload Crosses • [H4] Upload Crosses File Error • [H4] Template Information • [H4] Add New Cross • [H4] Template Information • [H4] Success • [H4] Add New Crossing Experiment • [H4] Please Note: Website Data Usage Policy • [H4] MusaBase adheres to the Toronto agreement on prepublication data release • [H4] Featured Publication • [H4] Public Lists • [H4] List Contents • [H4] List Validation Report: Failed • [H4] Fuzzy Search Results • [H4] Synonym Search Results • [H4] Available Seedlots • [H4] Public Datasets • [H4] Dataset Contents • [H4] Dataset Validation Failed • [H4] Your Calendar • [H4] Add New Event • [H4] Event Info • [H4] Edit Event • [H4] Working • [H4] Progress
	Картинки	Мы нашли 49 картинок на этом веб-сайте. 41 alt атрибута(-ов) не найдено. Добавив альтернативный текст, поисковые роботы будут лучше понимать содержание картинки.
	Соотношение Контент/HTML	Соотношение : 36% Идеально! Соотношение текста в коде HTML между 25 и 70 процентов.
	Flash	Замечательно, мы не нашли Flash контента на странице.
	Iframe	Замечательно, мы не зафиксировали Iframe'ов на Вашей странице.

SEO ссылки

	ЧПУ ссылки	Отлично, все Ваши ссылки являются ЧПУ!
	Нижнее подчеркивание в ссылках	Мы нашли "нижнее подчеркивание" в Ваших ссылках. Вам лучше использовать дефис для оптимизации вашего SEO.
	Внутренние ссылки	Мы нашли 121 ссылок(-и), включая 14 ссылок ссылок(-и) на файл(-ы).
	Statistics	Внешние ссылки : noFollow 0% Внешние ссылки : Передает вес 28.1% Внутренние ссылки 71.9%

Внутренние ссылки

Анкор	Тип	Вес ссылки
order	Внутренняя	Передает вес
MusaBase	Внутренняя	Передает вес
Wizard	Внутренняя	Передает вес
Accessions and Plots	Внутренняя	Передает вес
Organisms	Внутренняя	Передает вес
Progenies and Crosses	Внутренняя	Передает вес
Field Trials	Внутренняя	Передает вес
Genotyping Plates	Внутренняя	Передает вес
Genotyping Data Projects	Внутренняя	Передает вес
Genotyping Protocols	Внутренняя	Передает вес
Accessions Using Genotypes	Внутренняя	Передает вес
Traits	Внутренняя	Передает вес
Markers	Внутренняя	Передает вес
Images	Внутренняя	Передает вес
People	Внутренняя	Передает вес
FAQ	Внутренняя	Передает вес

Внутренние ссылки

FTP Data	Внутренняя	Передаёт вес
User Roles	Внутренняя	Передаёт вес
Breeding Programs	Внутренняя	Передаёт вес
Locations	Внутренняя	Передаёт вес
Accessions	Внутренняя	Передаёт вес
Seed Lots	Внутренняя	Передаёт вес
Crosses	Внутренняя	Передаёт вес
Field Trials	Внутренняя	Передаёт вес
Genotyping Plates	Внутренняя	Передаёт вес
Tissue Samples	Внутренняя	Передаёт вес
Field Book App	Внутренняя	Передаёт вес
Phenotyping	Внутренняя	Передаёт вес
Barcodes	Внутренняя	Передаёт вес
Label Designer	Внутренняя	Передаёт вес
NIRS	Внутренняя	Передаёт вес
Markerset	Внутренняя	Передаёт вес
Download	Внутренняя	Передаёт вес
Upload	Внутренняя	Передаёт вес
ODK Data Collection	Внутренняя	Передаёт вес
Identifier Generation	Внутренняя	Передаёт вес
Stored Analyses	Внутренняя	Передаёт вес
Compare Trials	Внутренняя	Передаёт вес
Graphical Filtering	Внутренняя	Передаёт вес
Selection Index	Внутренняя	Передаёт вес
Genomic Selection	Внутренняя	Передаёт вес
Accession Usage	Внутренняя	Передаёт вес
Mixed Models	Внутренняя	Передаёт вес
Heritability	Внутренняя	Передаёт вес

Внутренние ссылки

Stability AMMI	Внутренняя	Передаёт вес
GWAS	Внутренняя	Передаёт вес
BoxPlotter	Внутренняя	Передаёт вес
Image Analysis	Внутренняя	Передаёт вес
BLAST	Внутренняя	Передаёт вес
Ontology Browser	Внутренняя	Передаёт вес
Compose a New Trait	Внутренняя	Передаёт вес
Musa acuminata genome	Внутренняя	Передаёт вес
Nematode screening	Внутренняя	Передаёт вес
Weevil screening	Внутренняя	Передаёт вес
Sigatoka resistance screening	Внутренняя	Передаёт вес
Xvm resistance screening	Внутренняя	Передаёт вес
FOC-R1 resistances screening (Glasshouse)	Внутренняя	Передаёт вес
Phenotyping for FOC-R1	Внутренняя	Передаёт вес
Phenotyping for Sigatoka	Внутренняя	Передаёт вес
Phenotyping for BXW	Внутренняя	Передаёт вес
Sigatoka and Fusarium Collection	Внутренняя	Передаёт вес
About	Внутренняя	Передаёт вес
Contact	Внутренняя	Передаёт вес
Cite Musabase	Внутренняя	Передаёт вес
Manual	Внешняя	Передаёт вес
Video tutorials	Внешняя	Передаёт вес
Database statistics	Внутренняя	Передаёт вес
Forum	Внутренняя	Передаёт вес
Twitter	Внешняя	Передаёт вес
Facebook	Внешняя	Передаёт вес
Design and create breeding trials	Внутренняя	Передаёт вес
Upload accessions	Внутренняя	Передаёт вес

Внутренние ссылки

Make crosses	Внутренняя	Передаёт вес
Manage trials tutorials @ SGN	Внешняя	Передаёт вес
Use search & list tutorials @ SGN	Внешняя	Передаёт вес
MGIS	Внешняя	Передаёт вес
Search accessions	Внешняя	Передаёт вес
Search germplasm collection	Внешняя	Передаёт вес
Taxonomy browser	Внешняя	Передаёт вес
The banana (Musa acuminata) genome and the evolution of monocotyledonous plants	Внешняя	Передаёт вес
Browse the banana genome	Внешняя	Передаёт вес
BLAST search	Внешняя	Передаёт вес
Download reference genome	Внешняя	Передаёт вес
NARO Uganda	Внешняя	Передаёт вес
Mueller lab @BTI	Внешняя	Передаёт вес
For General Help	Внешняя	Передаёт вес
Single Trial Design	Внутренняя	Передаёт вес
Multiple Trial Designs	Внутренняя	Передаёт вес
Inventory	Внешняя	Передаёт вес
Using Lists	Внутренняя	Передаёт вес
Uploading a File	Внутренняя	Передаёт вес
data usage policy	Внутренняя	Передаёт вес
Zoom Link	Внешняя	Передаёт вес
NARO: New Banana Breed Are Disease Resistant	Внешняя	Передаёт вес
See all news...	Внутренняя	Передаёт вес
Genomic Prediction in a Multiploid Crop: Genotype by Environment Interaction and Allele Dosage Effects on Predictive Ability in Banana	Внешняя	Передаёт вес
See all publications...	Внутренняя	Передаёт вес
BreedBase Workshop at PAG 32	Внешняя	Передаёт вес
PAG 32	Внешняя	Передаёт вес

Внутренние ссылки

See all events...	Внутренняя	Передаёт вес
BTRACT	Внешняя	Передаёт вес
Breeding Better Bananas Project	Внешняя	Передаёт вес
Southgreen Banana Genome Hub	Внешняя	Передаёт вес
MGIS	Внешняя	Передаёт вес
Musapedia	Внешняя	Передаёт вес
Farm Radio	Внешняя	Передаёт вес
IITA banana program	Внешняя	Передаёт вес
Ugandan banana research portal	Внешняя	Передаёт вес
Product profiles	Внутренняя	Передаёт вес
Int'l Society for Tropical Root Crops	Внешняя	Передаёт вес
PDF	Внутренняя	Передаёт вес
Documentation	Внешняя	Передаёт вес
Videos	Внутренняя	Передаёт вес
'+response[i].title+'	Внутренняя	Передаёт вес
'+d.seedlot[0]+'	Внутренняя	Передаёт вес
'+d.contents[0]+'	Внутренняя	Передаёт вес
" + event.title + "	Внутренняя	Передаёт вес
" + event.property + "	Внутренняя	Передаёт вес
" + event.event_url + "	Внутренняя	Передаёт вес
Export	Внешняя	Передаёт вес
directory search	Внутренняя	Передаёт вес

Ключевые слова



Облако ключевых слов

trial genotyping plot upload
information file number database
name field

Содержание ключевых слов

Ключевое слово	Контент	Заголовок к странице	Ключевые слова	Описание страницы	Заголовки
trial	159	✖	✖	✖	✔
file	139	✖	✖	✖	✔
database	107	✖	✖	✖	✔
name	95	✖	✖	✖	✔
field	86	✖	✖	✖	✔

Юзабилити

	Домен	Домен : musabase.org Длина : 12
	Favicon	Отлично, Ваш сайт имеет favicon.
	Пригодность для печати	Плохо. Мы не нашли CSS файл, отвечающий за печать веб-сайта.
	Язык	Вы не установили язык веб-сайта. Используйте бесплатный генератор мета-тэгов , чтобы установить язык Вашего веб-сайта.
	Dublin Core	Ваш веб-сайт не использует преимущества Dublin Core.

Документ

	Doctype	XHTML 1.0 Transitional
	Кодировка	Замечательно. Кодировка веб-сайта: UTF-8.
	W3C Validity	Ошибок : 38 Предупреждений : 52
	Приватность эл. почты	Внимание! Как минимум 1 адрес эл. почты был найден в контенте. Воспользуйтесь бесплатной защитой от спама , чтобы скрыть адрес от спамеров.

Документ

	Устаревший HTML	Устаревшие тэги	Найдено
		<center>	110
		<u>	2
		Устаревшие HTML теги - это теги, которые никогда больше не будут использоваться. Рекомендуется удалить, либо заменить их на CSS правила.	
	Скорость загрузки	 Внимание! Попытайтесь избежать вложенных таблиц.	
		 Слишком плохо. Ваш веб-сайт использует встроенные CSS правила в HTML тэгах.	
		 Плохо. Ваш веб-сайт имеет слишком много CSS файлов (больше чем 4).	
		 Плохо. Ваш веб-сайт имеет слишком много JavaScript файлов (больше чем 6).	
		 Замечательно, ваш сайт использует возможность gzip сжатия.	

Мобильный телефон

	Оптимизация под моб. телефон	 Apple иконки	
		 Meta Viewport Тэг	
		 Flash контент	

Оптимизация

	XML карта сайта	Отсутствует	
		Ваш сайт не имеет XML карты сайта - это может быть проблематично.	
		Карта сайта может содержать дополнительную информацию для поисковых роботов, такую как: время последнего обновления, важность ресурсов, ссылки на это ресурсы. Это помогает роботом более разумно анализировать ваш сайт.	
	Robots.txt	http://musabase.org/robots.txt	
		Отлично, ваш веб-сайт содержит файл robots.txt.	
	Аналитика	Отлично, на вашем сайте присутствуют аналитические	

Оптимизация



программы.



Google Analytics