



SEO Sisältö

	Otsikko	MusaBase Pituus : 8 Ihannetapauksessa, sinun otsikkosi pitäisi sisältää väliltä 10 ja 70 kirjainta (välilyönnit mukaanlukien). Käytä tätä ilmaista työkalua laskeaksi tekstin pituus.												
	Kuvaus	Pituus : 0 Erittäin huono. Emme löytäneet meta-kuvausta sivustoltasi ollenkaan. Käytä Tätä ilmaista meta-kuvaus generaattoria lisätäksesi kuvauksen.												
	Avainsanat	Erittäin huono. Emme löytäneen meta -sanoja sivultasi. Käytä Tätä ilmaista meta-kuvaus generaattoria lisätäksesi kuvauksen.												
	Open Graph (OG-tägit) tarjoavat mahdollisuuden merkitä verkkosivustojen sisältöä meta-tiedoilla.	Tämä sivu ei käytä hyödyksi Open Graph protokollaa. Tunnisteet mahdollistavat sosiaalisen indeksoijan paremman jäsentämisen. Käytä tätä ilmaista og määritelmä generaattoria luodaksesi ne.												
	Otsikot	<table><tr><th>H1</th><th>H2</th><th>H3</th><th>H4</th><th>H5</th><th>H6</th></tr><tr><td>0</td><td>2</td><td>106</td><td>97</td><td>0</td><td>0</td></tr></table> • [H2] Individual Crosses: • [H2] Group of Crosses: • [H3] Thank you :-) • [H3] Breeding programs • [H3] Phenotyping • [H3] East African Highland • [H3] bananas project & Partners • [H3] New to the database? • [H3] This workflow will guide you through tissue sampling an experiment • [H3] At which level do you plan to keep track of your sampling? • [H3] Select a field trial • [H3] Plant entries in your field trial • [H3] Create tissue sample entries for this trial	H1	H2	H3	H4	H5	H6	0	2	106	97	0	0
H1	H2	H3	H4	H5	H6									
0	2	106	97	0	0									

SEO Sisältö

- [H3] Complete! You have all the entities you need to conduct your sampling.
- [H3] Complete! You have all the entities you need to conduct your sampling.
- [H3] This workflow will guide you through uploading a new trial or trials into the database
- [H3] Enter information about the experiment and upload your trial layout
- [H3] Is your trial linked with other field trials, genotyping plates, or crossing experiments in the database? If you are unsure, you can skip this. This information can be added from the trial detail page after the trial is saved.
- [H3] Fixing the missing accession(s) problem
- [H3] Trial Upload Error Messages
- [H3] Fixing the missing seedlot(s) problem
- [H3] Trial Upload Error Messages
- [H3] Submit your trial again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your trial is now in the database
- [H3] Finished! Your trial is now in the database
- [H3] This workflow will guide you through designing a new trial in the database
- [H3] Enter basic information about the trial
- [H3] Design your trial layout
- [H3] Is your trial linked with other field trials, genotyping plates, or crossing experiments in the database? If you are unsure, you can skip this. This information can be added from the trial detail page after the trial is saved.
- [H3] Specify the number of rows and columns for the entire field
- [H3] If you want to change the way in which plot names will be generated by the database
- [H3] Review the generated trial layout. Make sure to click Submit at the bottom of this page if you approve of the trial!
- [H3] Complete! Your trial was saved in the database.
- [H3] Complete! Your trial was saved in the database.
- [H3] This workflow will guide you through uploading genotypes into the database
- [H3] Select the type of genotyping data being uploaded
- [H3] Select the genotyping project or create a new one. A genotyping project is a specific genotyping event. You can have many genotyping projects under the same genotyping protocol to indicate that those genotyping events used the same markers.
- [H3] Provide info about the genotyping protocol used. The genotyping protocol represents a specific instance of how genotypes were called for a set of markers in a genotyping platform. Many genotyping projects can use the same genotyping protocol.
- [H3] Provide genotype information
- [H3] Finalize and submit your genotyping data
- [H3] Complete! Your genotyping data was saved in the database.

SEO Sisältö

- [H3] This workflow will guide you through adding a genotyping plate in the database
- [H3] Select a genotyping project
- [H3] Provide info about your plate
- [H3] Provide information about the wells in your plate
- [H3] You want to upload an existing plate layout
- [H3] You want to upload a Coordinate Android Application file.
- [H3] You want to upload a Custom Android Application file.
- [H3] You want to design a completely new plate.
- [H3] Is your genotyping plate linked with field trials in the database? This information can also be added from the genotyping plate detail page once the trial is saved in the database.
- [H3] Finalize and submit your genotyping plate
- [H3] Complete! Your genotyping plate was saved in the database.
- [H3] Complete! Your genotyping plate was saved in the database.
- [H3] What is a seedlot inventory?
- [H3] Make sure you are collecting seedlot inventory in the following format
- [H3] Select your file and upload seedlot inventory
- [H3] Fixing the missing seedlot(s) problem
- [H3] Seedlot Inventory Upload Error Messages
- [H3] Submit your inventory again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your seedlot inventory is in the database
- [H3] Finished! Your seedlot inventory is in the database
- [H3] The trial was saved to the database with no errors!
- [H3] What are seedlots?
- [H3] Seedlots fall into two categories
- [H3] Make sure your file matches the correct file format
- [H3] Provide basic information about the seedlots and upload your file
- [H3] Fix all errors in your file
- [H3] Seedlot Upload Error Messages
- [H3] Submit your seedlots again. You should have corrected all errors by now, but if not please take a look at the errors in the red box below. You can continue to modify your file and then click Upload until it works.
- [H3] There exist these problems in your file:
- [H3] Finished! Your seedlots are now in the database
- [H3] Finished! Your seedlots are now in the database
- [H3] Add the missing accessions to a list
- [H3] Introduction
- [H3] Select a crossing experiment for your crosses
- [H3] Enter basic information about the crosses and upload your file
- [H3] Additional options:
- [H3] Finished! Your crosses are now in the database
- [H3] Finished! Your crosses are now in the database
- [H3] What is a cross?
- [H3] Select a crossing experiment

SEO Sisältö

- [H3] Enter basic information about the cross
- [H3] Enter basic information about the cross
- [H3] Optional: If you choose to record exact cross parents, you can do so.
- [H3] Optional: If you choose to record exact cross female parent, you can do so.
- [H3] If you would like to add auto-generated progeny names for this cross, you can add it here
- [H3] Optional:
- [H3] Finished! Your cross is now in the database
- [H3] Finished! Your cross is now in the database
- [H3] What are crossing experiments?
- [H3] Enter basic information about the crossing experiment
- [H3] Finished! Your crossing experiment is now in the database
- [H3] Finished! Your crossing experiment is now in the database
- [H3] Your Lists
- [H3] Elements not found:
- [H3] Optional: Add Missing Accessions to A List
- [H3] Mismatched case
- [H3] Multiple mismatched case
- [H3] List elements matching a synonym
- [H3] Multiple synonym matches
- [H3] Your Datasets
- [H3] Elements not found:
- [H3] Login
- [H3] Forgot Username
- [H3] Reset Password
- [H3] Create New User
- [H4] Old browser version detected
- [H4] This site is best viewed with:
- [H4] What are you interested in? For General Help
- [H4] Upload an experimental field trial into the database that you have saved on your computer in Excel
- [H4] Design a completely new experimental field trial in the database
- [H4] Catalog your available seed inventory into the database
- [H4] Upload phenotypic data into the database that you have saved on your computer in Excel
- [H4] Plan tissue sampling
- [H4] Upload crosses and crossing information into the database
- [H4] Print barcode labels for my experiment (for your plots or plants or tissue samples in the field, or for your 96 well plate and tissue samples)
- [H4] Analyze phenotypic performance across trials
- [H4] Prepare a 96 or 384 well plate for a genotyping experiment
- [H4] Upload VCF genotypic data
- [H4] Tissue Sampling
- [H4] Field trial is not relevant for the type of tissue sampling you selected. Go to next step.
- [H4] Plant entries not relevant for the type of tissue sampling you selected. Go to next step.
- [H4] Plant entries exist for this trial. Go to next step.
- [H4] Please create plant entries for this trial.
- [H4] Field trial tissue sample entries not relevant for the type of tissue sampling you selected. Go to next step.

SEO Sisältö

- [H4] Tissue sample entries exist for this trial. Go to next step.
- [H4] Workflow for seedlot inventory
- [H4] I have new seedlots that need to be added into the database.
- [H4] I conducted an inventory (in weight(g)) and want to update the database to reflect the current state of the inventory.
- [H4] Workflow for uploading phenotypes
- [H4] Workflow for trial barcoding
- [H4] Workflow for comparing one or many trials
- [H4] Upload Existing Trial(s)
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Trial Metadata
- [H4] Upload Trial Metadata Template Information
- [H4] Design New Trial
- [H4] Which accessions will be in the field?
- [H4] Which crosses will be in the field?
- [H4] Which family names will be in the field?
- [H4] Number of Plants:
- [H4] Number of Columns (required):
- [H4] Number of columns between two check columns (Optional):
- [H4] Which seedlots will you grow in the field? This is optional and can be decided later. If you do not know exactly which seedlot packets you will be planting at this time, you can add this information on the Trial Detail Page after the trial has been saved in the database.
- [H4] Add Field Management Factor to Design
- [H4] Add Field Management Factor to Design
- [H4] Partially Replicated Design Usage Help
- [H4] Background:
- [H4] Design Parameters:
- [H4] NOTE:
- [H4] Upload Genotypes
- [H4] Upload VCF Template Information
- [H4] Upload Intertek Template Information
- [H4] Upload Tassel HDF5 Template Information
- [H4] Upload SSR Marker Info Template Information
- [H4] Upload SSR Marker Info Error
- [H4] Success
- [H4] Upload SSR Protocol (Marker Info)
- [H4] Upload SSR Data Template Information
- [H4] Upload KASP data Template Information
- [H4] Add Genotyping Plate
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Seedlot Inventory
- [H4] Upload Template Information
- [H4] Upload Seedlots
- [H4] Upload Template Information For Named Accessions
- [H4] Upload Template Information For Harvested Seedlots
- [H4] Create New Seedlot
- [H4] OR
- [H4] Add Accessions

SEO Sisältö

		• [H4] Upload Accessions Template Information • [H4] Accessions to be Added • [H4] Fuzzy Matches • [H4] Found Accessions • [H4] Accessions Saved • [H4] Upload Crosses • [H4] Upload Crosses File Error • [H4] Template Information • [H4] Add New Cross • [H4] Template Information • [H4] Success • [H4] Add New Crossing Experiment • [H4] Please Note: Website Data Usage Policy • [H4] MusaBase adheres to the Toronto agreement on prepublication data release • [H4] Featured Publication • [H4] Public Lists • [H4] List Contents • [H4] List Validation Report: Failed • [H4] Fuzzy Search Results • [H4] Synonym Search Results • [H4] Available Seedlots • [H4] Public Datasets • [H4] Dataset Contents • [H4] Dataset Validation Failed • [H4] Your Calendar • [H4] Add New Event • [H4] Event Info • [H4] Edit Event • [H4] Working • [H4] Progress
	Kuvat	Emme löytäneet 49 yhtään kuvia tältä sivustolta. 41 Alt-attribuutit on tyhjiä tai poistettu. Lisää vaihtoehtoisia tekstiä niin, että hakukoneet ymmärtävät paremmin kuvatesi sisällön.
	Kirjain/HTML suhde	Suhde : 36% Hipoo täydellisyyttä! Tämä sivu /sivut sisältää tekstiä suhteessa HTML-koodiin on suurempi kuin 15, mutta kuitenkin alle 25 prosenttia.
	Flash	Täydellistä!, Flash-sisältöä ei ole havaittu tällä sivulla.
	html-dokumentti sivun sisälle (Iframe)	Hienoa, Tällä sivulla ei ole Iframeja.

SEO Linkit

URL-	Hyvä. Sinun linkkisi näyttävät puhtailta!
------	---

SEO Linkit

	Uudelleenkirjoitus	
	Alleviivaa URL-osoitteet	Olemme havainneet merkintöjä URL-osoitteissasi. Sinun pitäisi pikemminkin käyttää väliviivoja optimoimaan SEO.
	Sivun linkit	Löysimme yhteensä 121 linkit jotka sisältää 14 linkit tiedostoihin
	Statistics	Ulkoiset linkit : älä seuraa 0% Ulkoiset linkit : Antaa mehua 28.1% Sisäiset linkit 71.9%

Sivun linkit

Ankkuri	Tyyppi	Mehu
order	Sisäinen	Antaa mehua
MusaBase	Sisäinen	Antaa mehua
Wizard	Sisäinen	Antaa mehua
Accessions and Plots	Sisäinen	Antaa mehua
Organisms	Sisäinen	Antaa mehua
Progenies and Crosses	Sisäinen	Antaa mehua
Field Trials	Sisäinen	Antaa mehua
Genotyping Plates	Sisäinen	Antaa mehua
Genotyping Data Projects	Sisäinen	Antaa mehua
Genotyping Protocols	Sisäinen	Antaa mehua
Accessions Using Genotypes	Sisäinen	Antaa mehua
Traits	Sisäinen	Antaa mehua
Markers	Sisäinen	Antaa mehua
Images	Sisäinen	Antaa mehua
People	Sisäinen	Antaa mehua
FAQ	Sisäinen	Antaa mehua
FTP Data	Sisäinen	Antaa mehua

Sivun linkit

User Roles	Sisäinen	Antaa mehua
Breeding Programs	Sisäinen	Antaa mehua
Locations	Sisäinen	Antaa mehua
Accessions	Sisäinen	Antaa mehua
Seed Lots	Sisäinen	Antaa mehua
Crosses	Sisäinen	Antaa mehua
Field Trials	Sisäinen	Antaa mehua
Genotyping Plates	Sisäinen	Antaa mehua
Tissue Samples	Sisäinen	Antaa mehua
Field Book App	Sisäinen	Antaa mehua
Phenotyping	Sisäinen	Antaa mehua
Barcodes	Sisäinen	Antaa mehua
Label Designer	Sisäinen	Antaa mehua
NIRS	Sisäinen	Antaa mehua
Markerset	Sisäinen	Antaa mehua
Download	Sisäinen	Antaa mehua
Upload	Sisäinen	Antaa mehua
ODK Data Collection	Sisäinen	Antaa mehua
Identifier Generation	Sisäinen	Antaa mehua
Stored Analyses	Sisäinen	Antaa mehua
Compare Trials	Sisäinen	Antaa mehua
Graphical Filtering	Sisäinen	Antaa mehua
Selection Index	Sisäinen	Antaa mehua
Genomic Selection	Sisäinen	Antaa mehua
Accession Usage	Sisäinen	Antaa mehua
Mixed Models	Sisäinen	Antaa mehua
Heritability	Sisäinen	Antaa mehua
Stability AMMI	Sisäinen	Antaa mehua

Sivun linkit

GWAS	Sisäinen	Antaa mehua
BoxPlotter	Sisäinen	Antaa mehua
Image Analysis	Sisäinen	Antaa mehua
BLAST	Sisäinen	Antaa mehua
Ontology Browser	Sisäinen	Antaa mehua
Compose a New Trait	Sisäinen	Antaa mehua
Musa acuminata genome	Sisäinen	Antaa mehua
Nematode screening	Sisäinen	Antaa mehua
Weevil screening	Sisäinen	Antaa mehua
Sigatoka resistance screening	Sisäinen	Antaa mehua
Xvm resistance screening	Sisäinen	Antaa mehua
FOC-R1 resistances screening (Glasshouse)	Sisäinen	Antaa mehua
Phenotyping for FOC-R1	Sisäinen	Antaa mehua
Phenotyping for Sigatoka	Sisäinen	Antaa mehua
Phenotyping for BXW	Sisäinen	Antaa mehua
Sigatoka and Fusarium Collection	Sisäinen	Antaa mehua
About	Sisäinen	Antaa mehua
Contact	Sisäinen	Antaa mehua
Cite Musabase	Sisäinen	Antaa mehua
Manual	Ulkoinen	Antaa mehua
Video tutorials	Ulkoinen	Antaa mehua
Database statistics	Sisäinen	Antaa mehua
Forum	Sisäinen	Antaa mehua
Twitter	Ulkoinen	Antaa mehua
Facebook	Ulkoinen	Antaa mehua
Design and create breeding trials	Sisäinen	Antaa mehua
Upload accessions	Sisäinen	Antaa mehua
Make crosses	Sisäinen	Antaa mehua

Sivun linkit

Manage trials tutorials @ SGN	Ulkoinen	Antaa mehua
Use search & list tutorials @ SGN	Ulkoinen	Antaa mehua
MGIS	Ulkoinen	Antaa mehua
Search accessions	Ulkoinen	Antaa mehua
Search germplasm collection	Ulkoinen	Antaa mehua
Taxonomy browser	Ulkoinen	Antaa mehua
The banana (Musa acuminata) genome and the evolution of monocotyledonous plants	Ulkoinen	Antaa mehua
Browse the banana genome	Ulkoinen	Antaa mehua
BLAST search	Ulkoinen	Antaa mehua
Download reference genome	Ulkoinen	Antaa mehua
NARO Uganda	Ulkoinen	Antaa mehua
Mueller lab @BTI	Ulkoinen	Antaa mehua
For General Help	Ulkoinen	Antaa mehua
Single Trial Design	Sisäinen	Antaa mehua
Multiple Trial Designs	Sisäinen	Antaa mehua
Inventory	Ulkoinen	Antaa mehua
Using Lists	Sisäinen	Antaa mehua
Uploading a File	Sisäinen	Antaa mehua
data usage policy	Sisäinen	Antaa mehua
Zoom Link	Ulkoinen	Antaa mehua
NARO: New Banana Breed Are Disease Resistant	Ulkoinen	Antaa mehua
See all news...	Sisäinen	Antaa mehua
Genomic Prediction in a Multiploid Crop: Genotype by Environment Interaction and Allele Dosage Effects on Predictive Ability in Banana	Ulkoinen	Antaa mehua
See all publications...	Sisäinen	Antaa mehua
BreedBase Workshop at PAG 32	Ulkoinen	Antaa mehua
PAG 32	Ulkoinen	Antaa mehua
See all events...	Sisäinen	Antaa mehua

Sivun linkit

BTRACT	Ulkoinen	Antaa mehua
Breeding Better Bananas Project	Ulkoinen	Antaa mehua
Southgreen Banana Genome Hub	Ulkoinen	Antaa mehua
MGIS	Ulkoinen	Antaa mehua
Musapedia	Ulkoinen	Antaa mehua
Farm Radio	Ulkoinen	Antaa mehua
IITA banana program	Ulkoinen	Antaa mehua
Ugandan banana research portal	Ulkoinen	Antaa mehua
Product profiles	Sisäinen	Antaa mehua
Int'l Society for Tropical Root Crops	Ulkoinen	Antaa mehua
PDF	Sisäinen	Antaa mehua
Documentation	Ulkoinen	Antaa mehua
Videos	Sisäinen	Antaa mehua
'+response[i].title+'	Sisäinen	Antaa mehua
'+d.seedlot[0]+'	Sisäinen	Antaa mehua
'+d.contents[0]+'	Sisäinen	Antaa mehua
" + event.title + "	Sisäinen	Antaa mehua
" + event.property + "	Sisäinen	Antaa mehua
" + event.event_url + "	Sisäinen	Antaa mehua
Export	Ulkoinen	Antaa mehua
directory search	Sisäinen	Antaa mehua

SEO avainsanat

	Avainsana pilvi	upload file information database number name trial genotyping plot field
--	-----------------	---

Avainsanojen johdonmukaisuus

Avainsana	Sisältö	Otsikko	Avainsanat	Kuvaus	Otsikot
trial	159	✖	✖	✖	✓
file	139	✖	✖	✖	✓
database	107	✖	✖	✖	✓
name	95	✖	✖	✖	✓
field	86	✖	✖	✖	✓

Käytettävyys

	Url	Sivusto : musabase.org Pituus : 12
	Pikkukuva (favicon)	Hienoa, sinun sivulla on favicon (pikakuvake).
	Tulostettavuus	Emme löytäneet tulostusystävällistä CSS-palvelua.
	Kieli	Et ole määrittänyt kieltä. Käytä tätä ilmaista meta tägi generaattoria määrittääksesi sivustosi kielen.
	Metatietosanastostandardi informaatio (DC)	Tämä sivu ei käytä hyödyksi (DublinCore =DC) metatietosanastostandardi informaatiokuvausta.

Dokumentti

	(dokumenttityyppi); Merkistökoodaus	XHTML 1.0 Transitional
	Koodaus/tietojenkäsittely	Täydellistä. Ilmoitettu asiakirjan merkkijono on UTF-8.
	W3C Voimassaolo	Virheet : 38 Varoitukset : 52
	Sähköpostin yksityisyys	Varoitus! Ainakin yksi sähköpostiosoite on löytynyt tavallisesta tekstistä. Käytä tätä ilmaista antispam suojausta piilottaaksesi sähköpostiosoitteet spämmereiltä.

Dokumentti

	HTML Epäonnistui	Tägit Epäonnistui		Esiintymät	
		<center>		110	
		<u>		2	
		Epäillyt HTML-koodit ovat HTML-tageja, joita ei enää käytetä. On suositeltavaa poistaa tai korvata nämä HTML-tunnisteet, koska ne ovat vanhentuneet.			
	Nopeus neuvot				
			Huomio! Yritä välttää sisäkkäisiä taulukoita HTML: ssä.		
			Harmillista, Sivustosi käyttää sisäisiä tyylejä.		
			Harmillista, sivustossasi on liian monta CSS-tiedostoa (enemmänkuin4).		
			Harmillista, sivustossasi on liikaa JavaScript-tiedostoja (enemmänkuin6).		
			Täydellistä, Sivustosi hyödyntää gzipia.		

Mobiili

	Mobiili optimointi	 Apple-kuvake	
		 Meta Viewport -tunniste	
		 Flash sisältö	

Optimoi

	XML Sivukartta	Puuttuu	
		Sivustollasi ei ole XML-sivukarttaa - tämä voi olla ongelmallinen.	
		Sivukartta sisältää URL-osoitteita, jotka ovat käytettävissä indeksointiin ja voivat sisältää lisätietoja, kuten sivustosi uusimmat päivitykset, muutosten tiheydet ja URL-osoitteita. Tämä sallii hakukoneiden indeksoida sivuston älykkäästi.	
	Robots.txt	http://musabase.org/robots.txt Hienoa, sivustossasi on robots.txt-tiedosto.	
	Analyysit	Hienoa, sivustossasi on analyysityökalu.	
		 Google Analytics	

Optimoi